

## CURRICULUM VITAE - ALESSANDRA TESSITORE

INFORMAZIONI PERSONALI	<b>Alessandra Tessitore</b> <b>Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche</b> <b>-DISCAB-</b> <b>Via Vetoio, Edificio De Meis (Coppito 2)</b> <b>L'Aquila, 67100, Italia</b> <b>Email: <a href="mailto:alessandra.tessitore@univaq.it">alessandra.tessitore@univaq.it</a></b> <b>Tel.: +39 0862 433518</b>
POSIZIONE ATTUALE	<b>2022</b> – Professoressa Associata, SSD MEDS/26-A, Scienze Tecniche di Medicina di Laboratorio. <b>Febbraio 2021:</b> vincitrice di procedura selettiva per Professore di II fascia SSD MED/46 presso il Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche dell'Università dell'Aquila.  <b>2023:</b> Abilitazione Scientifica Nazionale per Professore di I fascia, Settore Concorsuale 06/N1.
ISTRUZIONE E FORMAZIONE	<b>Giugno 1997</b> - Dottorato di Ricerca in Immunologia Applicata (Università degli Studi dell'Aquila). Titolo della tesi: "Regolazione trascrizionale delle molecole di adesione intercellulare ICAM-1 mediata da interferone $\gamma$ ". <b>A.A. 1989-1990</b> - Laurea in Scienze Naturali con lode (Università La Sapienza, Roma)
ESPERIENZA PROFESSIONALE ACCADEMICA	<b>2012-21</b> Ricercatrice a tempo indeterminato SSD MED/46 Scienze Tecniche di Medicina di Laboratorio <b>2012</b> - Collaborazione coordinata e continuativa presso il Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi di L'Aquila Tematica: "Analisi degli acidi nucleici tramite real time PCR per lo studio d'espressione del miRNoma murino ed elaborazione dati tramite strumenti bioinformatici" <b>1999-2001/2009/2011</b> - Quattro annualità di Assegno di Ricerca presso l'Università degli Studi dell'Aquila (1 biennale, 2 annuali, SSD MED/04) Tematiche di studio: "Sviluppo di una tecnologia di scansione molecolare semiautomatizzata per la determinazione di lesioni di geni coinvolti nella patogenesi tumorale (tp53 e BRCA1)", "Realizzazione di un portale bioinformatico per facilitare e velocizzare l'utilizzo di banche dati nucleotidiche", "Approcci bioinformatici allo studio delle neoplasie: analisi del mirnoma in modelli murini di epatocarcinogenesi". <b>2006</b> - Research fellowship biennale nell'ambito del progetto ITALIA-USA farmacogenomica oncologica ed oncoproteomica, coordinato dall'Istituto Superiore di Sanità, presso il Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine diretto dai Dr. Lance Liotta ed Emanuel Petricoin, George Mason

	<p>University, Prince William Campus, Virginia, USA (Nov 2006-Nov 2007) e presso l'Istituto Dermopatico dell'Immacolata, Roma (Lug 2008- Lug 2009)          Tematica: Identificazione di biomarcatori tumorali sierici tramite metodi di analisi proteomica -LC-ESI-MS/MS, RPPMA-</p> <p><b>2004-2005</b> - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila          Tematica: "Ricerca di mutazioni di geni coinvolti nel processo di patogenesi del tumore della mammella"</p> <p><b>2004</b> - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila          Tematica: "Analisi di lesioni geniche somatiche nei tumori della mammella e del colon tramite studio di frammenti di DNA fluorescente –Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis- e sequenziamento automatico"</p> <p><b>2004</b> - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila          Tematica: "Sviluppo ed applicazione di metodiche avanzate di diagnostica molecolare in campo oncologico"</p> <p><b>2003-2004</b> - Prestazione d'opera intellettuale e Collaborazione Coordinata e Continuativa presso Dip. Medicina Sperimentale Università degli studi dell'Aquila          Tematica: "Studio della tossicità dei metalli pesanti"</p> <p><b>2002</b> Incarico per prestazione autonoma per ricerca presso il Dipartimento di Oncologia e Neuroscienze dell'Università degli Studi di Chieti          Tematica: "Studio della stabilità genomica"</p> <p><b>2001-2002</b> - Prestazione professionale presso Dip. Medicina Sperimentale e Patologia, Università "La Sapienza", Roma          Tematica: "Identificazione di programmi genetici coinvolti nel differenziamento di cellule di neuroblastoma"</p> <p><b>1997-1998</b> - Attività di ricerca scientifica finanziata, su concorso e presentazione di progetto, dalla Regione Abruzzo, F.S.E., titolo "Determinazione delle lesioni genetiche di proteine (BRCA1 e p53), coinvolte nei meccanismi molecolari correlati allo sviluppo di tumori ormono-dipendenti"</p> <p><b>1997</b> - Incarico per prestazione presso l'Istituto Superiore di Sanità (convenzioni stipulate ai sensi art 2 legge 7-8-1973, n.519)          Tematica: "Diagnosi prenatale della beta-talassemia"</p> <p><b>1991-1993</b> - Due annualità di borsa di studio del Consiglio Nazionale delle Ricerche, Istituto di Tipizzazione tissutale e problemi della dialisi dell'Aquila          Tematica: "Analisi e tipizzazione HLA nel trapianto di rene e di midollo osseo".</p> <p><b>ATTIVITÀ SCIENTIFICA ALL'ESTERO</b></p> <p><b>Nov 2006- Nov 2007</b> - Formale attribuzione di research fellowship nell'ambito del progetto ITALIA-USA farmacogenomica oncologica ed oncoproteomica, coordinato dall'Istituto Superiore di Sanità, presso il Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine diretto dai Dr. Lance Liotta ed Emanuel Petricoin, George Mason University, Prince William Campus, Manassas, Virginia, USA.</p> <p><b>Dic 1997-Feb 1998</b> - Visiting Scientist presso il Laboratorio diretto dal Prof Riccardo Dalla Favera, Department of Pathology, Columbia University, New York NY USA. Progetto: allestimento in house di un metodo innovativo di</p>
--	--

	scansione molecolare per l'analisi mutazionale della regione genomica 13q14 in pazienti con leucemia linfoide acuta.
--	--

<b>ATTIVITÀ DIDATTICA</b>	<p><b>A.A. 2024-25</b> Corso "Introduzione alla biologia computazionale" (MEDS/26-A, 3 cfu), corso di laurea in Biotecnologie</p> <p><b>A.A. 2021/22-oggi</b> Docente del Corso "Cancer genetics and genomics for mathematical modelling" (MDE/46, 3 cfu), Corso di laurea magistrale in Mathematical modelling</p> <p><b>A.A.2019/20-oggi</b> Docente del modulo "Methods and data analysis for nucleic acids and proteins" (SSD MED/46, 6 cfu), corso "Methods and techniques for biotechnologies", Corso di Laurea Magistrale in Data Science Applicata</p> <p><b>A.A.2017/18-oggi</b> Docente del modulo "Tecniche analitiche automatizzate" (SSD MED/46, 3 cfu), corso "Scienze tecniche mediche applicate", Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p><b>A.A.2020/21-oggi</b> Docente del modulo "Modelli organizzativi e gestionali dei servizi tecnico-diagnostici" (SSD MED/46, 3 cfu), corso "Metodologie professionalizzanti interdisciplinari", Corso di Laurea Magistrale in Scienze delle Professioni sanitarie tecniche diagnostiche</p> <p><b>A.A. 2018/19-2019/20</b> Docente del modulo "Metodologie avanzate nel laboratorio di emocoagulazione" (SSD MED/46, 3 cfu), corso "Scienze tecniche mediche applicate", Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p><b>A.A 2016/17</b> Docente del modulo "Metodologie di laboratorio" (SSD MED/46, 2 cfu), corso "Scienze tecnico-diagnostiche di laboratorio biomedico", Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p><b>A.A. 2016/17</b> Docente del modulo "Metodologie biomolecolari" (SSD MED/46, 1 cfu) corso di "Tecniche di laboratorio biomedico", Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p><b>A.A. 2012/13</b> Attività didattica teorico-pratica di supporto all'insegnamento di Tecniche di laboratorio biomedico (30 ore), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p><b>A.A. 2010/11</b> Docente a contratto del corso "Tecniche di laboratorio biomedico" (SSD MED/46, 5+1 cfu), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p><b>A.A. 2007/08-2008/09-2009/10</b> Docente a contratto del corso di "Tecniche di Laboratorio Integrato 2" (SSD BIO/10 e BIO/11, 10 cfu/anno), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p><b>A.A. 2015/16-oggi</b> Docente del Master di I livello in "Diagnostica Molecolare delle Malattie Genetiche, Tumorali ed Infettive", Università degli Studi dell'Aquila (insegnamento: Tecniche per l'analisi degli acidi nucleici e delle proteine)</p> <p>Relatrice di tesi di laurea sperimentali e compilative</p> <p>Relatrice/tutor nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p><b>ALTRI INCARICHI DIDATTICI</b></p> <p><b>A.A. 2013/14-oggi</b> - Membro del Collegio dei Docenti del Dottorato in Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p>
---------------------------	---

	<p><b>A.A. 2021-22:</b> Membro del Gruppo di Assicurazione della Qualità del corso di laurea in Data Science Applicata LM-DATA dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p><b>A.A. 2018/19-oggi</b> - Membro del Gruppo di Assicurazione della Qualità, CAD CdL Tecniche di laboratorio biomedico e CdLM in Data Science Applicata dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p><b>A.A. 2017/18</b> - Membro del Comitato ordinatore del corso di laurea in Applied Data Science LM-91 dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p><b>2018</b> - Referente del Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche per l'attivazione del corso di laurea internazionale LM-91, Università degli Studi dell'Aquila.</p> <p><b>2014</b> - Membro del Comitato ordinatore del Master di I livello "Diagnostica Molecolare delle Malattie Genetiche, Tumorali ed Infettive" presso l'Università degli studi di L'Aquila.</p>

<p>ATTIVITÀ SCIENTIFICA</p>	<p><b>2022-oggi</b> Applicazione di modelli di intelligenza artificiale per la classificazione dei tumori. Analisi di dataset WES e applicazione di una nuova pipeline per la definizione di nuove varianti in soggetti a familiarità per cancro della mammella.</p> <p><b>2011-oggi</b> - Analisi dei profili d'espressione dei microRNA per lo studio dei meccanismi di regolazione epigenetica e l'identificazione di biomarcatori a carattere diagnostico e predittivo. Caratterizzazione di nuovi microRNA e geni rilevanti per processi molecolari di interesse patologico. Uso di piattaforme di real-time PCR high-throughput e di strumenti di analisi bioinformatica.</p> <p>Le ricerche sono state effettuate su modelli in vitro (cellule corneali e retiniche, in risposta a stimoli neurotrofici per lo studio di patologie oculari; amniociti, in modelli di ischemia/riperfusione), preclinici in vivo (modelli murini di danno epatico NAFL-NASH-HCC indotto da dieta e modello murino di epatocarcinogenesi indotta da agenti chimici), campioni da pazienti affetti da patologia (sclerosi sistemica).</p> <p>-Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p><b>2018-oggi</b> – Referente scientifico dell'attività del laboratorio di genetica molecolare oncologica del Centro di ricerca di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate per la genotipizzazione di biomarcatori di rilevanza clinica. Analisi mutazionale di geni con valore di biomarcatori per la medicina di precisione in pazienti affetti da patologia tumorale.</p> <p>-Centro di ricerca interdipartimentale di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p>-Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p><b>2007-2009</b> - Analisi del peptidoma sierico. Identificazione di biomarcatori circolanti in pazienti affetti da patologia tumorale mediante metodi di frazionamento proteico ed avanzate tecniche high-throughput di spettrometria di massa (ESI- LC-MS/MS) e di protein microarray (Reverse Phase Protein Array)</p> <p>- Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine, George Mason</p>
-----------------------------	--

	<p>University, Prince William Campus, Virginia, USA          -Istituto Dermopatico dell'Immacolata, Roma  <b>2003-2006/2009-oggi</b> - Analisi biomolecolari di geni coinvolti nella patogenesi tumorale (e.g. tp53, BRCA, TrkA, KCTD11, PI3KCA)          -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila          -Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila  <b>2000-2003</b> - Analisi ed identificazione di nuove varianti geniche e proteiche (NBS1, MRE11, Rad50) coinvolte nel controllo della stabilità genomica in linee cellulari tumorali          -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila  <b>1997-2006</b> - Sviluppo di tecnologie automatizzate altamente sensibili (analisi di frammenti di DNA fluorescente, Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis) e finalizzate al potenziamento della diagnostica molecolare. Analisi di mutazione somatica di geni coinvolti nell'oncogenesi dei tumori solidi umani (tp53, in tumori del colon e della mammella) e nelle malattie genetiche ereditarie (Rho, beta-talassemia)          -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli studi dell'Aquila  <b>1993-1999</b> - Analisi della regolazione trascrizionale genica (ICAM-1) su modelli cellulari in vitro          -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila  <b>1991-2015</b> - Studio del sistema di istocompatibilità, tipizzazione molecolare e determinazione di nuove varianti alleliche, in relazione al trapianto di rene e midollo osseo          -Istituto CNR di Tipizzazione Tissutale e Problemi della Dialisi, L'Aquila          -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli studi dell'Aquila          -Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila.</p>
--	--

<p>INCARICHI ORGANIZZATIVI E GESTIONALI</p>	<p><b>2024-oggi</b> Presidente della Commissione Spin-off di Ateneo  <b>2021-oggi</b> Presidente del Corso di Laurea Magistrale in Scienze delle Professioni Sanitarie Tecniche Diagnostiche  <b>2021-oggi</b> Membro della Commissione Didattica del Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche  <b>2021-oggi</b> Membro del Comitato promotore per l'istituzione del Corso di Laurea Magistrale in Applied Data Science (LM-DATA)  <b>2020-oggi</b> - Referente incaricato DISCAB per l'allestimento della Collezione degli Strumenti per le Scienze Biologiche e Biotecnologiche, Polo Museale di Ateneo POMAQ  <b>2018-oggi</b> – Referente scientifico dell'attività di genetica molecolare oncologica presso il Centro interdipartimentale di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate DMTA dell'Università degli Studi dell'Aquila.  <b>2014/2015/2017</b> Referente DISCAB per l'organizzazione degli eventi Sharper e Street Science, Notte dei Ricercatori  <b>2013-oggi</b> - Referente incaricato dal Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche DISCAB per l'Orientamento e Tutorato nella Commissione Orientamento di Ateneo</p>
---	---

<p>RUOLI EDITORIALI AFFERENZA A SOCIETÀ SCIENTIFICHE</p>	<p>Editor GENES Journal (Special Issue, MDPI Editorial Group) Review Editor per la Rivista Frontiers in Cell and Developmental Biology Membro SIRTEPS (Società Italiana Ricerca Traslazionale e Professioni Sanitarie) Membro SIPMET (Società Italiana di Patologia e Medicina Traslazionale) Membro AICC (Associazione Italiana Colture Cellulari)</p>
--	---

<p>ULTERIORI INFORMAZIONI SOMMARIO RISULTATI SCIENTIFICI</p>	<p>Scopus Author ID: 18435356100 <a href="http://orcid.org/0000-0002-7663-2210">http://orcid.org/0000-0002-7663-2210</a> Indicatori bibliometrici Scopus: H-index 21, citazioni totali 1976, n. pubblicazioni 71</p>
--	--

<p>PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE SELEZIONE</p>	<p>(* <b>corresponding author, § co-authorship</b>)</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1) Ornello R, Zelli V, Compagnoni C, Caponnetto V, De Matteis E, Tiseo C, <b>Tessitore A</b>, Sacco S. <i>MicroRNA profiling in women with migraine: effects of CGRP-targeting treatment</i>. J Headache Pain. 2024 May 16;25(1):80.</li> <li>2) Bianchi A, Zelli V, D'Angelo A, Di Matteo A, Scoccia G, Cannita K, Dimas AS, Glentis S, Zazzeroni F, Alesse E, Di Marco A, <b>Tessitore A</b>. <i>A method to comprehensively identify germline SNVs, INDELS and CNVs from whole exome sequencing data of BRCA1/2 negative breast cancer patients</i>. NAR Genom Bioinform. 2024 Apr 17;6(2):lqae033.</li> <li>3) Irelli A, Patruno LV, Chiatamone Ranieri S, Di Giacomo D, Malatesta S, Alesse E, <b>Tessitore A</b>, Cannita K. <i>Role of Breast Cancer Risk Estimation Models to Identify Women Eligible for Genetic Testing and Risk-Reducing Surgery</i>. Biomedicines, Biomedicines. 2024 Mar 22;12(4):714.</li> <li>4) Zelli V, Manno A, Compagnoni C, Ibraheem RO, Zazzeroni F, Alesse E, Rossi F, Arbib C, <b>Tessitore A*</b>. <i>Classification of tumor types using XGBoost machine learning model: a vector space transformation of genomic alterations</i>. J Transl Med. 2023 Nov 21;21(1):836.</li> <li>5) Compagnoni C, Capelli R, Zelli V, Corrente A, Vecchiotti D, Flati I, Di Vito Nolfi M, Angelucci A, Alesse E, Zazzeroni F, <b>Tessitore A</b>. <i>MiR-182-5p Is Upregulated in Hepatic Tissues from a Diet-Induced NAFLD/NASH/HCC C57BL/6J Mouse Model and Modulates Cyl4 and Foxo1 Expression</i>. Int J Mol Sci. 2023 May 25;24(11):9239.</li> <li>6) Irelli A, Chiatamone Ranieri S, Di Giacomo D, Malatesta S, Patruno LV, <b>Tessitore A</b>, Alesse E, Cannita K. <i>Role of the Molecular Tumor Board for the Personalized Treatment of Patients with Metastatic Breast Cancer: A Focus on the State of the Art in Italy</i>. Cancers (Basel). 2023 Mar 12;15(6):1727.</li> <li>7) Zelli V, Compagnoni C, Capelli R, Corrente A, Di Vito Nolfi M, Zazzeroni F, Alesse E, <b>Tessitore A</b>. <i>Role of exosomal microRNAs in cancer therapy and drug resistance mechanisms: focus on hepatocellular carcinoma</i>. Front Oncol. 2022 Jul 15;12:940056.</li> <li>8) Irelli A, Parisi A, D'Orazio C, Sidoni T, Rotondaro S, Patruno L, Pavese F, Bafile A, Resta V, Pizzorno L, Ciuffetelli V, Dal Mas A, Calvisi G, Di Sibio A, Marzullo A, Zelli V, Compagnoni C, <b>Tessitore</b></li> </ol>
---	--

- A**, Alesse E, Ficorella C, Cortellini A, Cannita K. *Anthracycline-Free Neoadjuvant Treatment in Patients with HER2-Positive Breast Cancer: Real-Life Use of Pertuzumab, Trastuzumab and Taxanes Association with an Exploratory Analysis of PIK3CA Mutational Status*. *Cancers (Basel)*. 2022 Jun 18;14(12):3003.
- 9) Zelli V, Parisi A, Patruno L, Cannita K, Ficorella C, Luzi C, Compagnoni C, Zazzeroni F, Alesse E, **Tessitore A**. *Concurrent RAS and RAS/BRAF V600E Variants in Colorectal Cancer: More Frequent Than Expected? A Case Report*. *Front Oncol*. 2022 Apr 7;12:863639.
- 10) Compagnoni C, Zelli V, Bianchi A, Di Marco A, Capelli R, Vecchiotti D, Brandolini L, Cimini AM, Zazzeroni F, Allegretti M, Alesse E, **Tessitore A\***. *MicroRNAs Expression in Response to rhNGF in Epithelial Corneal Cells: Focus on Neurotrophin Signaling Pathway*. *Int J Mol Sci*. 2022 Mar 25;23(7):3597.
- 11) Zelli V, Compagnoni C, Capelli R, Corrente A, Cornice J, Vecchiotti D, Di Padova M, Zazzeroni F, Alesse E, **Tessitore A\***. *Emerging Role of isomiRs in Cancer: State of the Art and Recent Advances*. *Genes (Basel)*. 2021 Sep 20;12(9):1447.
- 12) M Fischietti, E Fratini, D Verzella, D Vecchiotti, D Capece, B Di Francesco, G Esposito, M Balata, L Ioannucci, P Sykes, L Satta, F Zazzeroni, **A Tessitore\***, MA Tabocchini, E Alesse. *Low radiation environment switches the overgrowth-induced cell apoptosis towards autophagy*. *Frontiers in Public Health*, 2021, 8, 594789.
- 13) Castelli V, Antonucci I, d'Angelo M, **Tessitore A**, Zelli V, Benedetti E, Ferri C, Desideri G, Borlongan C, Stuppia L, Cimini A. *Neuroprotective effects of human amniotic fluid stem cells-derived secretome in an ischemia/reperfusion model*. *Stem Cells Transl Med*. 2021, 10(2), pp. 251–266.
- 14) Zelli V, Compagnoni C, Capelli R, Cannita K, Sidoni T, Ficorella C, Capalbo C, Zazzeroni F, **Tessitore A\*§**, Alesse E<sup>§</sup>. *Circulating MicroRNAs as Prognostic and Therapeutic Biomarkers in Breast Cancer Molecular Subtypes*. *J Pers Med*. 2020 Aug 22;10(3):98.
- 15) Veronica Zelli, Chiara Compagnoni, Katia Cannita, Roberta Capelli, Carlo Capalbo, Mauro Di Vito Nolfi, Edoardo Alesse, Francesca Zazzeroni and **Alessandra Tessitore\***. *Applications of Next Generation Sequencing to the Analysis of Familial Breast/Ovarian Cancer*. *High-Throughput* 2020, 9, 1; doi:10.3390/ht9010001.
- 16) C Arbib, MÇ. Pinar, F Rossi, **A Tessitore**. *Codon optimization by 0-1 linear programming*. *Comput. Oper. Res*. 119: 104932 (2020).
- 17) Di Benedetto, Paola, Panzera, Noemi, Cipriani, Paola, Mastroiaco, Valentina, **Tessitore, Alessandra**, Liakouli, Vasiliki, Ruscitti, Piero, Berardicurti, Onorina, Carubbi, Francesco, Guggino, Giuliana, Bianchi, Andrea, Di Marco, Antinisca, Ciccia, Francesco, Alesse, Edoardo, Giacomelli, Roberto. *Mesenchymal stem cells of Systemic Sclerosis patients, derived from different sources, show a profibrotic microRNA profiling*. *SCIENTIFIC REPORTS*, 2019, vol. 9, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-019-43638-0.
- 18) C Capalbo, F Belardinilli, D Raimondo, E Milanetti, U Malapelle, P Pisapia, V Magri, A Prete, S Pecorari, M Colella, A Coppa, C

Bonfiglio, A Nicolussi, V Valentini, **A Tessitore**, B Cardinali, M Petroni, P Infante, M Santoni, M Filetti, V Colicchia, P Paci, S Mezi, F Longo, E Cortesi, P Marchetti, G Troncione, D Bellavia, G Canettieri, G Giannini. *A Simplified Genomic Profiling Approach Predicts Outcome in Metastatic Colorectal Cancer*. *Cancers*, 2019, 11, 147; doi:10.3390/cancers11020147.

- 19) Petroni M, Sardina F, Infante P, Bartolazzi A, Locatelli E, Fabretti F, Di Giulio S, Capalbo C, Cardinali B, Coppa A, **Tessitore A**, Colicchia V, Sahùn Roncero M, Belardinilli F, Di Marcotullio L, Soddu S, Comes Franchini M, Petricci E, Gulino A, Giannini G. *MRE11 inhibition highlights a replication stress-dependent vulnerability of MYCN-driven tumors*. *Cell Death Dis*. 2018 Aug 30;9(9):895.
- 20) **Tessitore A\***, Bruera G, Mastroiaco V, Cannita K, Cortellini A, Coccione V, Dal Mas A, Calvisi G, Zazzeroni F, Ficorella C, Ricevuto E, Alesse E. *KRAS and Two Rare PI3KCA Mutations Coexisting in a Metastatic Colorectal Cancer Patient With Aggressive and Resistant Disease*. *Hum Pathol*. 2018 Apr;74:178-182.
- 21) Del Vecchio, F, Mastroiaco, V, Di Marco, A, Compagnoni, C, Capece, D, Zazzeroni, F, Capalbo, C, Alesse, E, **Tessitore, A\***. *Next-generation sequencing: Recent applications to the analysis of colorectal cancer*. *JOURNAL OF TRANSLATIONAL MEDICINE*, 2017, vol. 15, ISSN: 1479-5876, doi: 10.1186/s12967-017-1353-y.
- 22) **Tessitore A\***, Mastroiaco V, Vetuschi A, Sferra R, Pompili S, Ciciarelli G, Barnabei R, Capece D, Zazzeroni F, Capalbo C, Alesse E. *Development of hepatocellular cancer induced by long term low fat-high carbohydrate diet in a NAFLD/NASH mouse model*. *Oncotarget*. 2017 Jun 21;8(32):53482-53494.
- 23) **Tessitore A\***, Ciciarelli G, Del Vecchio F, Gaggiano A, Verzella D, Fischietti M, Mastroiaco V, Vetuschi A, Sferra R, Barnabei R, Capece D, Zazzeroni F, Alesse E. *MicroRNA expression analysis in high fat diet-induced NAFLD-NASH-HCC progression: study on C57BL/6J mice*. *BMC Cancer*. 2016 Jan 5;16(1):3.
- 24) Del Vecchio F, Gallo F, Di Marco A, Mastroiaco V, Caianiello P, Zazzeroni F, Alesse E, **Tessitore A\***. *Bioinformatics approach to predict target genes for dysregulated microRNAs in hepatocellular carcinoma: study on a chemically-induced HCC mouse model*. *BMC Bioinformatics*. 2015 Dec 10;16(1):408.
- 25) **Tessitore A\***, Ciciarelli G, Mastroiaco V, Vecchio FD, Capece D, Verzella D, Fischietti M, Vecchiotti D, Zazzeroni F, Alesse E. *Therapeutic Use of MicroRNAs in Cancer*. *Anticancer Agents Med Chem*. 2015;16(1):7-19.
- 26) Bruera G, Cannita K, **Tessitore A**, Russo A, Alesse E, Ficorella C, Ricevuto E. *The prevalent KRAS exon 2 c.35 G>A mutation in metastatic colorectal cancer patients: A biomarker of worse prognosis and potential benefit of bevacizumab-containing intensive regimens?* *Crit Rev Oncol Hematol*. 2014 Oct 16. pii: S1040-8428(14)00155-3.
- 27) **Tessitore A**, Ciciarelli G, Del Vecchio F, Gaggiano A, Verzella D, Fischietti M, Vecchiotti D, Capece D, Zazzeroni F, Alesse E.

*MicroRNAs in the DNA Damage/Repair Network and Cancer*. Int J Genomics. 2014; 2014:820248. doi: 10.1155/2014/820248.

- 28) **Tessitore A**, Zazzeroni F, Alesse E. *Reverse-phase protein microarray highlights HER2 signaling activation in immunohistochemistry/FISH/HER2-negative breast cancers*. Expert Rev Proteomics. 2013 Jun;10(3):223-6.
- 29) **Tessitore A**, Gaggiano A, Ciccirelli G, Verzella D, Capece D, Fischietti M, Zazzeroni F, Alesse E. *Serum biomarkers identification by mass spectrometry in high mortality tumors*. Int J Proteomics, 2013;2013:125858. doi: 10.1155/2013/125858.
- 30) W Zhou, Mark M. Ross, **A Tessitore**, A VanMeter, L.A. Liotta and E. Petricoin III. *An initial characterization of the serum phosphoproteome*. J Proteome Res, 2009 Dec;8(12):5523-31.
- 31) Luchini, D.H. Geho, B. Bishop, D. Tran, C. Xia, R. Dufour, V. Espina, A. Patanarut, W. Zhou, M. Ross, **A. Tessitore**, E. Petricoin, and L. Liotta. *Smart Hydrogel particles for biomarker harvesting: one-step affinity purification, size exclusion, and protection against degradation*. Nano Letters, 2008 Jan 8, 350:361.
- 32) De Galitiis F, Cannita K, **Tessitore A**, Martella F, Di Rocco CZ, Russo A, Adamo V, Iacobelli S, Martinotti S, Marchetti P, Ficorella C, Ricevuto E. *Novel P53 mutations detected by FAMA in colorectal cancers*. Ann Oncol. 2006 Jun;17 Suppl 7:vii78-vii83.
- 33) Tacconelli A, Farina AR, Cappabianca L, Desantis G, **Tessitore A**, Vetuschi A, Sferra R, Rucci N, Argenti B, Screpanti I, Gulino A, Mackay AR. *TrkA alternative splicing: a regulated tumor-promoting switch in human neuroblastoma*. Cancer Cell. 2004 Oct;6(4):347-60.
- 34) Marchetti P, Cannita K, Ricevuto E, De Galitiis F, Di Rocco ZC, **Tessitore A**, Bisegna R, Porzio G, De Rubeis GP, Ventura T, Martinotti S, Ficorella C. *Prognostic value of p53 molecular status in high-risk primary breast cancer*. Ann Oncol. 2003 May;14(5):704-8.
- 35) **Tessitore A.\***, Biordi L, Flati V, Toniato E, Marchetti P, Ricevuto E, Ficorella C, Scotto L, Giannini G, Frati L, Masciocchi C, Tombolini V, Gulino A, Martinotti S. *"New mutations and protein variants of NBS1 are identified in cancer cell lines"*. Genes Chromosomes Cancer, 36:198-204, 2003.
- 36) **Tessitore A.**, Di Rocco C.Z., Cannita K., Ricevuto E., Toniato E., Tosi M., Ficorella C., Frati L., Gulino A., Marchetti P., Martinotti S. *"High sensitivity of detection of p53 somatic mutations using Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis (FAMA)"*. Genes Chromosomes Cancer, 35:86-91, 2002.
- 37) **Tessitore A.**, Toniato E., Gulino A., Frati L., Ricevuto E, Vadalà M, Vingolo E., and Martinotti S. *"Prenatal diagnosis of a rhodopsin genetic lesion using chemical cleavage of the mismatch"*. Prenat Diagn, 22:380-4, 2002.
- 38) **Tessitore A**, Martinotti S. *Role of bcr-abl in the regulation and inhibition of apoptosis*. EOS Rivista di Immunologia e Immunofarmacologia. 1999 Vol 19, 107-112.
- 39) Pastore L., **Tessitore A.**, Martinotti S., Toniato E., Alesse E., Bravi M.C., Ferri C., Desideri G., Gulino A., Santucci A. *"Angiotensin II stimulates intercellular adhesion molecule 1 (ICAM-1) expression by*

	<p><i>human vascular endothelial cells and increases soluble ICAM-1 release", Circulation, Oct 12, 1646-1652, 1999.</i></p> <p>40) <b>Tessitore</b>, L. Pastore, A. Rispoli, L. Cilenti, E. Toniato, V. Flati, A. R. Farina, L. Frati, A. Gulino, and S. Martinotti "<i>Two gamma-interferon-activation sites (GAS) on the promoter of the human intercellular adhesion molecule 1 (ICAM-1) gene are required for induction of transcription by IFN-gamma</i>", Eur J Biochem, 258, 968-975, 1998.</p> <p>41) E. Ricevuto, C. Ficorella, C. Fusco, K. Cannita, <b>A. Tessitore</b>, E. Toniato, A. Gabriele, L. Frati, P. Marchetti, A. Gulino, S. Martinotti "<i>Molecular diagnosis of p53 mutations in gastric carcinoma by touch preparation</i>", Am J Pathol, vol. 148, n. 2 February 1996, 405-413.</p>
--	--

AUTORIZZO IL TRATTAMENTO DEI MIEI DATI PERSONALI, AI SENSI DEL D. LGS. 196 DEL 30 GIUGNO 2003

L'AQUILA, 16 DICEMBRE 2024