



CURRICULUM VITAE DI ALESSANDRA TESSITORE

<p>INFORMAZIONI PERSONALI</p>	<p>Alessandra Tessitore Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche -DISCAB- Via Vetoio, Edificio De Meis (Coppito 2) L'Aquila, 67100, Italia Email: alessandra.tessitore@univaq.it Tel.: +39 0862 433518</p>
<p>POSIZIONE ATTUALE</p>	<p>2022 – Professoressa Associata, SSD MED/46, Scienze Tecniche di Medicina di Laboratorio. Febbraio 2021: vincitrice di procedura selettiva per Professore di II fascia SSD MED/46 presso il Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche dell'Università dell'Aquila. Ottobre 2018: Abilitazione Scientifica Nazionale per Professore di II fascia, Settore Concorsuale 06/N1.</p>
<p>ISTRUZIONE E FORMAZIONE</p>	<p>Giugno 1997 - Dottorato di Ricerca in Immunologia Applicata (Università degli Studi dell'Aquila). Titolo della tesi: "Regolazione trascrizionale delle molecole di adesione intercellulare ICAM-1 mediata da interferone γ". A.A. 1989-1990 - Laurea in Scienze Naturali con lode (Università La Sapienza, Roma)</p>
<p>ESPERIENZA PROFESSIONALE ACCADEMICA</p>	<p>2012-21 Ricercatrice a tempo indeterminato SSD MED/46 Scienze Tecniche di Medicina di Laboratorio 2012 - Collaborazione coordinata e continuativa presso il Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi di L'Aquila Tematica: "Analisi degli acidi nucleici tramite real time PCR per lo studio d'espressione del miRNoma murino ed elaborazione dati tramite strumenti bioinformatici" 1999-2001/2009/2011- Quattro annualità di Assegno di Ricerca presso l'Università degli Studi dell'Aquila (1 biennale, 2 annuali, SSD MED04) Tematiche di studio: "Sviluppo di una tecnologia di scansione molecolare semiautomatizzata per la determinazione di geni coinvolti nella patogenesi tumorale (tp53 e BRCA1)", " Realizzazione di un portale bioinformatico per facilitare e velocizzare l'utilizzo di banche dati nucleotidiche", "Approcci bioinformatici allo studio delle neoplasie: analisi del mirnoma in modelli murini di epatocarcinogenesi". 2006 - Research fellowship biennale nell'ambito del progetto ITALIA-USA farmacogenomica oncologica ed oncoproteomica, coordinato dall'Istituto Superiore di Sanità, presso il Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine diretto dai Dr. Lance Liotta ed Emanuel Petricoin, George Mason University, Prince William Campus, Virginia, USA (Nov 2006-Nov 2007) e</p>



presso l'Istituto Dermopatico dell'Immacolata (Prof. Paolo Marchetti), Roma (Lug 2008- Lug 2009)
 Tematica: Identificazione di biomarcatori tumorali sierici tramite metodi di analisi proteomica -LC-ESI-MS/MS, RPPMA-

2004-2005 - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila
 Tematica: "Ricerca di mutazioni di geni coinvolti nel processo di patogenesi del tumore della mammella"

2004 - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila
 Tematica: "Analisi di lesioni geniche somatiche nei tumori della mammella e del colon tramite studio di frammenti di DNA fluorescente -Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis- e sequenziamento automatico"

2004 - Collaborazione coordinata e continuativa per ricerca presso il Dipartimento di Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila
 Tematica: "Sviluppo ed applicazione di metodiche avanzate di diagnostica molecolare in campo oncologico"

2003-2004 - Prestazione d'opera intellettuale e Collaborazione Coordinata e Continuativa presso Dip. Medicina Sperimentale Università degli studi di L'Aquila
 Tematica: "Studio della tossicità dei metalli pesanti"

2002 Incarico per prestazione autonoma per ricerca presso il Dipartimento di Oncologia e Neuroscienze dell'Università degli Studi di Chieti
 Tematica: "Studio della stabilità genomica"

2001-2002 - Prestazione professionale presso Dip. Medicina Sperimentale e Patologia, Università "La Sapienza", Roma
 Tematica: "Identificazione di programmi genetici coinvolti nel differenziamento di cellule di neuroblastoma"

1997-1998 - Attività di ricerca scientifica finanziata, su concorso e presentazione di progetto, dalla Regione Abruzzo, F.S.E., titolo "Determinazione delle lesioni genetiche di proteine (BRCA1 e p53), coinvolte nei meccanismi molecolari correlati allo sviluppo di tumori ormono-dipendenti"

1997 - Incarico per prestazione presso l'Istituto Superiore di Sanità (convenzioni stipulate ai sensi art 2 legge 7-8-1973, n.519)
 Tematica: "Diagnosi prenatale della beta-talassemia"

1991-1993 - Due annualità di borsa di studio del Consiglio Nazionale delle Ricerche, Istituto di Tipizzazione tissutale e problemi della dialisi dell'Aquila
 Tematica: "Analisi e tipizzazione HLA nel trapianto di rene e di midollo osseo".

ATTIVITÀ SCIENTIFICA ALL'ESTERO

Nov 2006- Nov 2007 - Formale attribuzione di research fellowship nell'ambito del progetto ITALIA-USA farmacogenomica oncologica ed oncoproteomica, coordinato dall'Istituto Superiore di Sanità, presso il Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine diretto dai Dr. Lance Liotta ed Emanuel Petricoin, George Mason University, Prince William Campus, Manassas, Virginia, USA.

Dic 1997-Feb 1998 - Visiting Scientist presso il Laboratorio diretto dal Prof Riccardo Dalla Favera, Department of Pathology, Columbia University, New York NY USA. Progetto: allestimento in house di un metodo innovativo di



	scansione molecolare per l'analisi mutazionale della regione genomica 13q14 in pazienti con leucemia linfoide acuta.
<p>ATTIVITÀ DIDATTICA</p>	<p>A.A.2020/21-2021/22 Docente del modulo “Methods and data analysis for nucleic acids and proteins” (SSD MED46, 6 cfu), corso “Methods and techniques for biotechnologies”, Corso di Laurea Internazionale Magistrale in Applied Data Science</p> <p>A.A.2020/21-2021/22 Docente del modulo “Tecniche analitiche automatizzate” (SSD MED46, 3 cfu), corso “Scienze tecniche mediche applicate”, Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p>A.A.2020/21-2021/22 Docente del modulo “Modelli organizzativi e gestionali dei servizi tecnico-diagnostici” (SSD MED46, 3 cfu), corso “Metodologie professionalizzanti interdisciplinari”, Corso di Laurea Magistrale in Scienze delle Professioni sanitarie tecniche diagnostiche</p> <p>A.A. 2019/20 Docente del modulo “Methods and data analysis for nucleic acids and proteins” (SSD MED46, 6 cfu), corso “Methods and techniques for biotechnologies”, Corso di Laurea Internazionale Magistrale in Applied Data Science</p> <p>A.A. 2018/19-2019/20 Docente del modulo “Metodologie avanzate nel laboratorio di emocoagulazione” (SSD MED46, 3 cfu), corso “Scienze tecniche mediche applicate”, Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p>A.A. 2017/18-2018/19-2019/20 Docente del modulo “Tecniche analitiche automatizzate” (SSD MED46, 3 cfu), corso “Scienze tecniche mediche applicate”, Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p>A.A 2016/17 Docente del modulo “Metodologie di laboratorio” (SSD MED46, 2 cfu), corso “Scienze tecnico-diagnostiche di laboratorio biomedico”, Corso di Laurea in Tecniche di laboratorio biomedico</p> <p>A.A. 2016/17 Docente del modulo “Metodologie biomolecolari” (SSD MED46, 1 cfu) corso di “Tecniche di laboratorio biomedico”, Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p>A.A. 2012/13 Attività didattica teorico-pratica di supporto all'insegnamento di Tecniche di laboratorio biomedico (30 ore), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p>A.A. 2010/11 Docente a contratto del corso “Tecniche di laboratorio biomedico” (SSD MED46, 5+1 cfu), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p>A.A. 2007/08-2008/09-2009/10 Docente a contratto del corso di “Tecniche di Laboratorio Integrato 2” (SSD BIO10 e BIO11, 10 cfu/anno), Corso di Laurea in Biotecnologie</p> <p>Da A.A. 2015/16 a A.A. 2020/21 Docente del Master di I livello in “Diagnostica Molecolare delle Malattie Genetiche, Tumoriali ed Infettive”, Università degli Studi dell'Aquila (insegnamento: Tecniche per l'analisi degli acidi nucleici e delle proteine)</p> <p>2012-oggi - Relatore di 24 tesi di laurea sperimentali (LM)+10 compilative (LT)</p> <p>Relatore/tutor nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila</p>



	<p>ALTRI INCARICHI DIDATTICI</p> <p>A.A. 2013/14 - oggi - Membro del Collegio dei Docenti del Dottorato in Medicina Sperimentale dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p>A.A. 2018/19-oggi - Membro del Gruppo del riesame, CAD CdL Tecniche di laboratorio biomedico e CdL Applied Data Science dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p>A.A. 2021-22: Membro del Comitato Promotore del corso di laurea in Data Science Applicata LM-DATA dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p>A.A. 2017/18 - Membro del Comitato ordinatore del corso di laurea in Data Science Applicata LM-91 dell'Università degli Studi di L'Aquila.</p> <p>2018 - Referente del Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche per l'attivazione, organizzazione e gestione del corso di laurea internazionale in Data Science Applicata, Università degli Studi dell'Aquila.</p> <p>2014 - Membro del Comitato ordinatore del Master di I livello "Diagnostica Molecolare delle Malattie Genetiche, Tumoriali ed Infettive" presso l'Università degli studi di L'Aquila.</p>

<p>ATTIVITÀ SCIENTIFICA</p>	<p>2011-oggi - Analisi dei profili d'espressione dei microRNA per lo studio dei meccanismi di regolazione epigenetica e l'identificazione di biomarcatori a carattere diagnostico e predittivo. Caratterizzazione di nuovi microRNA e geni rilevanti per processi molecolari di interesse patologico. Uso di piattaforme di real-time PCR high-throughput e di strumenti di analisi bioinformatica.</p> <p>Le ricerche sono state effettuate su modelli in vitro (cellule corneali e retiniche, in risposta a stimoli neurotrofici per lo studio di patologie oculari; amniociti, in modelli di ischemia/riperfusione), preclinici in vivo (modelli murini di danno epatico NAFL-NASH-HCC indotto da dieta e modello murino di epatocarcinogenesi indotta da agenti chimici), campioni da pazienti affetti da patologia (sclerosi sistemica).</p> <p>-Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli studi dell'Aquila</p> <p>2018-oggi - Coordina l'organizzazione e gestisce l'attività del laboratorio di genetica molecolare oncologica del Centro di ricerca di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate per la genotipizzazione di biomarcatori di rilevanza clinica. Analisi mutazionale di geni con valore di biomarcatori per la medicina di precisione in pazienti affetti da patologia tumorale (e.g. RAS, BRAF, BRCA1/2, PI3KCA)</p> <p>-Centro di ricerca interdipartimentale di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p>-Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila</p> <p>2007-2009 - Analisi del peptidoma sierico. Identificazione di biomarcatori circolanti in pazienti affetti da patologia tumorale mediante metodi di frazionamento proteico ed avanzate tecniche high-throughput di spettrometria di massa (ESI- LC-MS/MS) e di protein microarray (Reverse Phase Protein Array)</p> <p>- Center for Applied Proteomics and Molecular Medicine, George Mason</p>
-----------------------------	--



	<p>University, Prince William Campus, Virginia, USA -Istituto Dermopatico dell'Immacolata, Roma 2003-2006/2009-oggi - Analisi biomolecolari di geni coinvolti nella patogenesi tumorale (e.g. tp53, BRCA1, TrkA, KCTD11, PI3KCA) -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila -Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila 2000-2003 - Analisi ed identificazione di nuove varianti geniche e proteiche (NBS1, MRE11, Rad50) coinvolte nel controllo della stabilità genomica in linee cellulari tumorali -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila 1997-2006 - Sviluppo di tecnologie automatizzate altamente sensibili (analisi di frammenti di DNA fluorescente, Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis) e finalizzate al potenziamento della diagnostica molecolare. Analisi di mutazione somatica di geni coinvolti nell'oncogenesi dei tumori solidi umani (tp53, in tumori del colon e della mammella) e nelle malattie genetiche ereditarie (Rho, beta-talassemia) -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli studi dell'Aquila 1993-1999 - Analisi della regolazione trascrizionale genica (ICAM-1) su modelli cellulari in vitro -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli Studi dell'Aquila 1991-2015 - Studio del sistema di istocompatibilità, tipizzazione molecolare e determinazione di nuove varianti alleliche, in relazione al trapianto di rene e midollo osseo -Istituto CNR di Tipizzazione Tissutale e Problemi della Dialisi, L'Aquila -Dipartimento di Medicina Sperimentale, Università degli studi dell'Aquila -Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche, Università degli Studi dell'Aquila.</p>
<p>INCARICHI ORGANIZZATIVI E GESTIONALI</p>	<p>2021-oggi Presidente del Corso di Laurea Magistrale in Scienze delle Professioni Sanitarie Tecniche Diagnostiche 2021-oggi Membro della Commissione Didattica del Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche 2021-oggi Membro del Comitato promotore per l'istituzione del Corso di Laurea Magistrale in Applied Data Science (LM-DATA) 2020-oggi - Referente incaricato DISCAB per l'allestimento della Collezione degli Strumenti per le Scienze Biologiche e Biotecnologiche, Polo Museale di Ateneo POMAQ 2018-oggi – Referente incaricato dell'attività di genetica molecolare oncologica (cancro del colon-retto) presso il Centro interdipartimentale di Diagnostica Molecolare e Terapie Avanzate DMTA dell'Università degli Studi dell'Aquila, in riferimento alla Convenzione tra Università degli Studi dell'Aquila e ASL 01 Abruzzo per il progetto "Biomarcatori tumorali oncoematologici di rilevanza clinica" 2014/2015/2017 Referente DISCAB per l'organizzazione degli eventi Sharper e Street Science, Notte dei Ricercatori 2013-oggi - Referente incaricato dal Dipartimento di Scienze Cliniche Applicate e Biotecnologiche DISCAB per l'Orientamento e Tutorato nella Commissione Orientamento di Ateneo</p>



<p>RUOLI EDITORIALI AFFERENZA A SOCIETÀ SCIENTIFICHE</p>	<p>Editor GENES Journal (Special Issue, MDPI Editorial Group) Review Editor per la Rivista Frontiers in Cell and Developmental Biology Membro SIRTEPS (Società Italiana Ricerca Traslazionale e Professioni Sanitarie) Membro AICC (Associazione Italiana Colture Cellulari)</p>
<p>ULTERIORI INFORMAZIONI SOMMARIO RISULTATI SCIENTIFICI</p>	<p>Scopus Author ID: 18435356100 http://orcid.org/0000-0002-7663-2210 Bibliometric indicators Scopus: H-index 17, i10-index 29, total citations 1484, citazioni medie per pubblicazione 27.4</p>
<p>PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE SELEZIONE</p>	<p>1) Canossi A, Iesari S, Lai Q, Ciavatta S, Del Beato T, Panarese A, Binda B, Tessitore A, Papola F, Pisani F. Longitudinal monitoring of mRNA levels of regulatory T cell biomarkers by using non-invasive strategies to predict outcome in renal transplantation. <i>BMC Nephrol.</i> 2022 Feb 2;23(1):51. 2) Cornice J, Capece D, Di Vito Nolfi M, Di Padova M, Compagnoni C, Verzella D, Di Francesco B, Vecchiotti D, Flati I, Tessitore A, Alesse E, Barbato G, Zazzeroni F. Ultrasound-Based Method for the Identification of Novel MicroRNA Biomarkers in Prostate Cancer. <i>Genes (Basel).</i> 2021 Oct 28;12(11):1726. 3) Zelli V, Compagnoni C, Capelli R, Corrente A, Cornice J, Vecchiotti D, Di Padova M, Zazzeroni F, Alesse E, Tessitore A. Emerging Role of isomiRs in Cancer: State of the Art and Recent Advances. <i>Genes (Basel).</i> 2021 Sep 20;12(9):1447. 4) M Fischietti, E Fratini, D Verzella, D Vecchiotti, D Capece, B Di Francesco, G Esposito, M Balata, L Ioannucci, P Sykes, L Satta, F Zazzeroni, A Tessitore*, MA Tabocchini, E Alesse. Low radiation environment switches the overgrowth-induced cell apoptosis towards autophagy. <i>Frontiers in Public Health</i>, 2021, 8, 594789. 5) Castelli V, Antonucci I, d'Angelo M, Tessitore A, Zelli V, Benedetti E, Ferri C, Desideri G, Borlongan C, Stuppia L, Cimini A. Neuroprotective effects of human amniotic fluid stem cells-derived secretome in an ischemia/reperfusion model. <i>Stem Cells Transl Med.</i> 2021, 10(2), pp. 251–266. 6) Zelli V, Compagnoni C, Capelli R, Cannita K, Sidoni T, Ficorella C, Capalbo C, Zazzeroni F, Tessitore A*, Alesse E. Circulating MicroRNAs as Prognostic and Therapeutic Biomarkers in Breast Cancer Molecular Subtypes. <i>J Pers Med.</i> 2020 Aug 22;10(3):98. 7) Pompili S, Vetuschi A, Gaudio E, Tessitore A, Capelli R, Alesse E, Latella G, Sferra R, Onori P. Long-term abuse of a high-carbohydrate diet is as harmful as a high-fat diet for development and progression of liver injury in a mouse model of NAFLD/NASH. <i>Nutrition.</i> 2020 Jul-Aug;75-76:110782. 8) Cortellini, A., Buti, S., Bersanelli, M., Giusti, R., Perrone, F., Di Marino, P., Tinari, N., De Tursi, M., Grassadonia, A., Cannita, K., Tessitore, A., Zoratto, F., Veltri, E., Malorgio, F., Russano, M., Anesi, C., Zeppola, T., Filetti, M., Marchetti, P., Botticelli, A., Cappellini, G.C.A., De Galitiis, F., Vitale, M.G., Rastelli, F., Pergolesi, F., Berardi, R., Rinaldi, S., Tudini, M., Silva, R.R., Pireddu, A., Atzori, F., Iacono, D., Migliorino, M.R., Gelibter, A., Occhipinti, M.A.I Martella, F., Inno, A., Gori, S., Bracarda, S., Zannori, C., Mosillo, C.,</p>



- Parisi, A., Porzio, G., Mallardo, D., Fagnoli, M.C.b, Tiseo, M., Santini, D., Ascierio, P.A., Ficorella, C. Evaluating the role of FAMILY history of cancer and diagnosis of multiple neoplasms in cancer patients receiving PD-1/PD-L1 checkpoint inhibitors: the multicenter FAMI-L1 study. *Oncolmmunology* 2020, Vol. 9, Issue 1, Article number 1710389.
- 9)Veronica Zelli, Chiara Compagnoni, Katia Cannita, Roberta Capelli, Carlo Capalbo, Mauro Di Vito Nolfi, Edoardo Alesse, Francesca Zazzeroni and Alessandra Tessitore*. Applications of Next Generation Sequencing to the Analysis of Familial Breast/Ovarian Cancer. *High-Throughput* 2020, 9, 1; doi:10.3390/ht9010001.
- 10)C Arbib, MÇ. Pinar, F Rossi, A Tessitore. Codon optimization by 0-1 linear programming. *Comput. Oper. Res.* 119: 104932 (2020).
- 11)Di Benedetto, P, Panzera, N, Cipriani, P, Mastroiaco, V, Tessitore, A, Liakouli, V, Ruscitti, P, Berardicurti, O, Carubbi, F, Guggino, G, Bianchi, A, Di Marco, A, Ciccia, F, Alesse, E, Giacomelli, R. Mesenchymal stem cells of Systemic Sclerosis patients, derived from different sources, show a profibrotic microRNA profiling. *SCIENTIFIC REPORTS*, 2019, vol. 9, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-019-43638-0.
- 12)Petroni M., Sahun Roncero M., Ramponi V., Fabretti F., Nicolis Di Robilant V., Moretti M., Alfano V., Corsi A., De Panfilis S., Giubettini M., Di Giulio S., Capalbo C., Belardinilli F., Coppa A., Sardina F., Colicchia V., Pedretti F., Infante P., Cardinali B., Tessitore A., Canettieri G., De Smaele E., Giannini G. SMO-M2 mutation does not support cell-autonomous Hedgehog activity in cerebellar granule cell precursors. *SCIENTIFIC REPORTS*, 2019, vol. 9, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-019-56057-y.
- 13)C Capalbo, F Belardinilli, D Raimondo, E Milanetti, U Malapelle, P Pisapia, V Magri, A Prete, S Pecorari, M Colella, A Coppa, C Bonfiglio, A Nicolussi, V Valentini, A Tessitore, B Cardinali, M Petroni, P Infante, M Santoni, M Filetti, V Colicchia, P Paci, S Mezi, F Longo, E Cortesi, P Marchetti, G Troncone, D Bellavia, G Canettieri, G Giannini. A Simplified Genomic Profiling Approach Predicts Outcome in Metastatic Colorectal Cancer. *Cancers*, 2019, 11, 147; doi:10.3390/cancers11020147.
- 14)Capece, Daria, Verzella, Daniela, Tessitore, Alessandra, Alesse, Edoardo, Capalbo, Carlo, Zazzeroni, Francesca. Cancer secretome and inflammation: The bright and the dark sides of NF-κB. *SEMINARS IN CELL & DEVELOPMENTAL BIOLOGY*, 2018, vol. 78, p. 51-61, ISSN: 1084-9521, doi: 10.1016/j.semcd.2017.08.004.
- 15)Petroni M, Sardina F, Infante P, Bartolazzi A, Locatelli E, Fabretti F, Di Giulio S, Capalbo C, Cardinali B, Coppa A, Tessitore A, Colicchia V, Sahun Roncero M, Belardinilli F, Di Marcotullio L, Soddu S, Comes Franchini M, Petricci E, Gulino A, Giannini G. MRE11 inhibition highlights a replication stress-dependent vulnerability of MYCN-driven tumors. *Cell Death Dis.* 2018 Aug 30;9(9):895.
- 16)Capalbo C, Belardinilli F, Filetti M, Parisi C, Petroni M, Colicchia V, Tessitore A, Santoni M, Coppa A, Giannini G, Marchetti P. Effective treatment of a platinum-resistant cutaneous squamous cell carcinoma case by EGFR pathway inhibition. *Mol Clin Oncol.* 2018 Jul;9(1):30-34.
- 17)Cocciolone V, Cannita K, Tessitore A, Mastroiaco V, Rinaldi L, Paradisi S, Irelli A, Baldi PL, Sidoni T, Ricevuto E, Dal Mas A, Calvisi G, Coletti G,



- Ciccozzi A, Pizzorno L, Resta V, Bafile A, Alesse E, Ficorella C. Neoadjuvant chemotherapy in breast cancer: a dose-dense schedule in real life and putative role of PIK3CA mutations. *Oncotarget*. 2018 Jun 8;9(44):27380-27396.
- 18) Tessitore A*, Bruera G, Mastroiaco V, Cannita K, Cortellini A, Cocciolone V, Dal Mas A, Calvisi G, Zazzeroni F, Ficorella C, Ricevuto E, Alesse E. KRAS and Two Rare PI3KCA Mutations Coexisting in a Metastatic Colorectal Cancer Patient With Aggressive and Resistant Disease. *Hum Pathol*. 2018 Apr;74:178-182.
- 19) Del Vecchio, F, Mastroiaco, V, Di Marco, A, Compagnoni, C, Capece, D, Zazzeroni, F, Capalbo, C, Alesse, E, Tessitore, A*. Next-generation sequencing: Recent applications to the analysis of colorectal cancer. *JOURNAL OF TRANSLATIONAL MEDICINE*, 2017, vol. 15, ISSN: 1479-5876, doi: 10.1186/s12967-017-1353-y.
- 20) V Cocciolone, K Cannita, M L Calandrella, E Ricevuto, P Lanfiuti Baldi, T Sidoni, A Irelli, S Paradisi, L Pizzorno, V Resta, A Bafile, E Alesse, A Tessitore, Ficorella C. Prognostic significance of clinicopathological factors in early breast cancer: 20 years of follow-up in a single-center analysis. *Oncotarget*. 2017; 8:72031-72043.
- 21) Tessitore A*, Mastroiaco V, Vetuschi A, Sferra R, Pompili S, Cicciarelli G, Barnabei R, Capece D, Zazzeroni F, Capalbo C, Alesse E. Development of hepatocellular cancer induced by long term low fat-high carbohydrate diet in a NAFLD/NASH mouse model. *Oncotarget*. 2017 Jun 21;8(32):53482-53494.
- 22) Tessitore A*, Cicciarelli G, Del Vecchio F, Gaggiano A, Verzella D, Fischietti M, Mastroiaco V, Vetuschi A, Sferra R, Barnabei R, Capece D, Zazzeroni F, Alesse E. MicroRNA expression analysis in high fat diet-induced NAFLD-NASH-HCC progression: study on C57BL/6J mice. *BMC Cancer*. 2016 Jan 5;16(1):3.
- 23) Verzella, D, Fischietti, M, Capece D, Vecchiotti, D, Del Vecchio, F, Cicciarelli, G, Mastroiaco, V, Tessitore, A, Alesse, E, Zazzeroni, F. Targeting the NF- κ B pathway in prostate cancer: a promising therapeutic approach? *CURRENT DRUG TARGETS*, 2016, vol. 17, p. 311-320, ISSN: 1873-5592.
- 24) Del Vecchio F, Gallo F, Di Marco A, Mastroiaco V, Caianiello P, Zazzeroni F, Alesse E, Tessitore A*. Bioinformatics approach to predict target genes for dysregulated microRNAs in hepatocellular carcinoma: study on a chemically-induced HCC mouse model. *BMC Bioinformatics*. 2015 Dec 10;16(1):408.
- 25) Tessitore A*, Cicciarelli G, Mastroiaco V, Vecchio FD, Capece D, Verzella D, Fischietti M, Vecchiotti D, Zazzeroni F, Alesse E. Therapeutic Use of MicroRNAs in Cancer. *Anticancer Agents Med Chem*. 2015;16(1):7-19.
- 26) Aureli A, Oumhani K, Del Beato T, Di Rocco M, Tessitore A, El Aouad R, Piancatelli D. Increased CD1D polymorphism: identification of two novel alleles, CD1D*03 and *04, in individuals from Morocco. *Int J Immunogenet*. 2015 Aug;42(4):287-91.
- 27) Piancatelli D, Oumhani K, Benelbarhdadi I, Del Beato T, Colanardi A, Sebastiani P, Tessitore A, El Aouad R, Essaid A. MICA*078: A novel allele identified in a Moroccan individual affected by celiac disease. *Hum Immunol*.



- 2015 Jun;76(6):438-41.
- 28) Bruera G, Cannita K, Tessitore A, Russo A, Alesse E, Ficorella C, Ricevuto E. The prevalent KRAS exon 2 c.35 G>A mutation in metastatic colorectal cancer patients: A biomarker of worse prognosis and potential benefit of bevacizumab-containing intensive regimens? *Crit Rev Oncol Hematol.* 2014 Oct 16. pii: S1040-8428(14)00155-3.
- 29) Zazzeroni F, Nicosia D, Tessitore A, Gallo R, Verzella D, Fischietti M, Vecchiotti D, Ventura L, Capece D, Gulino A and Alesse E. "KCTD11 Tumor Suppressor Gene Expression Is Reduced in Prostate Adenocarcinoma," *BioMed Research International*, vol. 2014, Article ID 380398, 9 pages, 2014.
- 30) Tessitore A, Ciccirelli G, Del Vecchio F, Gaggiano A, Verzella D, Fischietti M, Vecchiotti D, Capece D, Zazzeroni F, Alesse E. MicroRNAs in the DNA Damage/Repair Network and Cancer. *Int J Genomics.* 2014; 2014:820248. doi: 10.1155/2014/820248.
- 31) Tessitore A, Zazzeroni F, Alesse E. Reverse-phase protein microarray highlights HER2 signaling activation in immunohistochemistry/FISH/HER2-negative breast cancers. *Expert Rev Proteomics.* 2013 Jun;10(3):223-6.
- 32) Tessitore A, Gaggiano A, Ciccirelli G, Verzella D, Capece D, Fischietti M, Zazzeroni F, Alesse E. Serum biomarkers identification by mass spectrometry in high mortality tumors. *Int J Proteomics*, 2013;2013:125858. doi: 10.1155/2013/125858.
- 33) Capece D, Fischietti M, Verzella D, Gaggiano A, Ciccirelli G, Tessitore A, Zazzeroni F, Alesse E The inflammatory microenvironment in hepatocellular carcinoma: a pivotal role for tumor-associated macrophages. *Biomed Res Int.* 2013:187204. doi: 10.1155/2013/187204.
- 34) VanMeter AJ, Camerini S, Polci ML, Tessitore A, Trivedi N, Heiby M, Kamal Y, Hansen J, Zhou W. Serum low-molecular-weight protein fractionation for biomarker discovery. *Methods Mol Biol.* 2012;823:237-49 Chapter 15.
- 35) W Zhou, Mark M. Ross, A Tessitore, A VanMeter, L.A. Liotta and E. Petricoin III. An initial characterization of the serum phosphoproteome. *J Proteome Res*, 2009 Dec;8(12):5523-31.
- 36) Luchini, D.H. Geho, B. Bishop, D. Tran, C. Xia, R. Dufour, V. Espina, A. Patanarut, W. Zhou, M. Ross, A. Tessitore, E. Petricoin, and L. Liotta. Smart Hydrogel particles for biomarker harvesting: one-step affinity purification, size exclusion, and protection against degradation. *Nano Letters*, 2008 Jan 8, 350:361.
- 37) Canossi A, Del Beato T, Piazza A, Liberatore G, Ozzella G, Tessitore A, Adorno D. Identification of the uncommon allele HLA-A*7403 in a Caucasian renal transplant cadaveric donor: extension of the exon 4 sequence. *Tissue Antigens.* 2007 Jun;69(6):615-8.
- 38) De Galitiis F, Cannita K, Tessitore A, Martella F, Di Rocco CZ, Russo A, Adamo V, Iacobelli S, Martinotti S, Marchetti P, Ficorella C, Ricevuto E. Novel P53 mutations detected by FAMA in colorectal cancers. *Ann Oncol.* 2006 Jun;17 Suppl 7:vii78-vii83.
- 39) Ozzella G, Monaco PI, Tessitore A, Piazza A, Piancatelli D, Adorno D Identification of a novel HLA-DRB1*11 allele: DRB1*1152. *Tissue Antigens.* 2006 Feb;67(2):180-2.
- 40) Piancatelli D, Beato TD, Papola F, Aureli A, Fioroni A, Canossi A, Mastrangelo E, Liberatore G, Tessitore A, Adorno D. Identification of a novel



- HLA-A*02 allele, A*027401*. *Tissue Antigens*. 2005 Aug;66(2):138-40.
- 41) Canossi A, Aureli A, Piancatelli D, Liberatore G, Del Beato T, Ozzella G, Tessitore A, Piazza A, Papola F, Casciani CU, Adorno D. Characterization of a novel HLA-Cw*02 variant, Cw*0208, in a Caucasian individual. *Tissue Antigens*. 2005 Jun;65(6):575-9.
- 42) Tacconelli A, Farina AR, Cappabianca L, Desantis G, Tessitore A, Vetuschi A, Sferra R, Rucci N, Argenti B, Screpanti I, Gulino A, Mackay AR. TrkA alternative splicing: a regulated tumor-promoting switch in human neuroblastoma. *Cancer Cell*. 2004 Oct;6(4):347-60.
- 43) Piancatelli D, Canossi A, Aureli A, Oumhani K, Del Beato T, Di Rocco M, Liberatore G, Tessitore A, Witter K, El Aouad R, Adorno D. Human leukocyte antigen-A, -B, and -Cw polymorphism in a Berber population from North Morocco using sequence-based typing. *Tissue Antigens*. 2004 Feb; 63(2): 158-172.
- 44) Ricevuto E, Marchetti P, Cannita K, De Galitiis F, Di Rocco ZC, Tessitore A, Martella F, Bisegna R, Porzio G, Bafile A, Vicentini R, Resta V, Mattucci S, Ventura T, Martinotti S, de Rubeis GP, Ficorella C. Can analysis of the molecular status of the p53 gene contribute to improving the therapeutic strategy for breast carcinoma? *Tumori*. 2003 Jul-Aug;89(4 Suppl):197-9.
- 45) Marchetti P, Cannita K, Ricevuto E, De Galitiis F, Di Rocco ZC, Tessitore A, Bisegna R, Porzio G, De Rubeis GP, Ventura T, Martinotti S, Ficorella C. Prognostic value of p53 molecular status in high-risk primary breast cancer. *Ann Oncol*. 2003 May;14(5):704-8.
- 46) Tessitore A., Biordi L, Flati V, Toniato E, Marchetti P, Ricevuto E, Ficorella C, Scotto L, Giannini G, Frati L, Masciocchi C, Tombolini V, Gulino A, Martinotti S. "New mutations and protein variants of NBS1 are identified in cancer cell lines". *Genes Chromosomes Cancer*, 36:198-204, 2003.
- 44) Tessitore A., Di Rocco C.Z., Cannita K., Ricevuto E., Toniato E., Tosi M., Ficorella C., Frati L., Gulino A., Marchetti P., Martinotti S. "High sensitivity of detection of p53 somatic mutations using Fluorescence-Assisted Mismatch Analysis (FAMA)". *Genes Chromosomes Cancer*, 35:86-91, 2002.
- 47) Canossi, F. Papola, G. Liberatore, T. Del Beato, D. Piancatelli, A. Tessitore, M.T. Vicentini, D. Maccarone, A. Aureli, C. Cervelli, M. Di Rocco, C.U. Casciani, D. Adorno. "Identification of the novel allele B*4427 and a confirmatory sequence (B*44022)". *Tissue Antigens*, 59:331-4, 2002.
- 48) Tessitore A., Toniato E., Gulino A., Frati L., Ricevuto E, Vadalà M, Vingolo E., and Martinotti S. "Prenatal diagnosis of a rhodopsin genetic lesion using chemical cleavage of the mismatch". *Prenat Diagn*, 22:380-4, 2002.
- 49) Canossi A, Piancatelli D, Oumhani K, Del Beato T, Tessitore A, Liberatore G, Aureli A, Aouad R, Casciani CU, Adorno D. Identification of a novel allele variant of HLA-B*57 in a Caucasian Moroccan individual B*57032. *Eur J Immunogenetics*. Volume 28, Issue 2, 2001, Page 232.
- 50) Pastore L., Tessitore A., Martinotti S., Toniato E., Alesse E., Bravi M.C., Ferri C., Desideri G., Gulino A., Santucci A. "Angiotensin II stimulates intercellular adhesion molecule 1 (ICAM-1) expression by human vascular endothelial cells and increases soluble ICAM-1 release", *Circulation*, Oct 12, 1646-1652, 1999.
- 51) Tessitore, L. Pastore, A. Rispoli, L. Cilenti, E. Toniato, V. Flati, A. R. Farina, L. Frati, A. Gulino, and S. Martinotti "Two gamma-interferon-



activation sites (GAS) on the promoter of the human intercellular adhesion molecule 1 (ICAM-1) gene are required for induction of transcription by IFN-gamma", Eur J Biochem, 258, 968-975, 1998.

52)R. Farina, L. Cappabianca, A. MacKay, A. Tiberio, A. Tacconelli, A. Tessitore, L. Frati, S. Martinotti, A. Gulino. "Transcriptional regulation of ICAM-1 by phorbol ester in human neuroblastoma cell line SK-N-SH involves jun and fos containing AP-1 site binding complex(es)", Cell Growth Differ, vol. 8, 789-800, July 1997.

53)E. Ricevuto, C. Ficorella, C. Fusco, K. Cannita, A. Tessitore, E. Toniato, A. Gabriele, L. Frati, P. Marchetti, A. Gulino, S. Martinotti "Molecular diagnosis of p53 mutations in gastric carcinoma by touch preparation", Am J Pathol, vol. 148, n. 2 February 1996, 405-413.

54)E. Toniato, V. Flati, M.G. Cifone, E. Del Grosso, P. Roncaioli, L. Cilenti, A. Tessitore, F. Lista, L. Frati, A. Gulino, S. Martinotti. "Involvement of an arachidonic-acid-dependent pathway in the interferon-beta-mediated expression of the C202 gene in Ehrlich-ascites-tumor cells", Eur J Biochem , 235, 91-96 (1996).

L'AQUILA, 23 FEBBRAIO 2022